



Conscience augmente le nombre de membres du comité directeur de CACHE

Les principaux représentants et représentantes de l'industrie collaborent pour fournir des conseils sur la recherche computationnelle de petites molécules (« hits »), essentielle à la découverte de médicaments

Toronto, Ontario, Canada, le 2 avril 2025 – [Conscience](#), un organisme sans but lucratif qui utilise la science ouverte et une véritable collaboration pour permettre la découverte et le développement de médicaments lorsque les solutions du marché sont limitées, est heureux d'annoncer que le comité directeur de CACHE (Critical Assessment of Computational Hit-finding Experiments) compte désormais quatre membres de l'industrie. Yogesh Sabnis, directeur de Lead Design chez UCB, s'est joint au comité après la nomination d'Anders Hogner, directeur principal d'IA Science, chez AstraZeneca, en novembre dernier. Sabnis et Hogner s'associent à Judith Günther, scientifique principale au sein du Structural Biology and Computational Design Team de Bayer, et à Yvonne Westermaier, scientifique principale II spécialisée en chimie computationnelle chez Boehringer Ingelheim (BI). Ces dernières ont toutes deux renouvelé leur engagement au sein du comité directeur de CACHE pour un mandat de deux ans. Mme Westermaier succède à Uta Lessel, scientifique principale chez BI, qui quitte le comité directeur de CACHE.

Le rôle du comité directeur est de diriger activement et de définir l'orientation des défis CACHE. Il nomme également les membres des panels de scientifiques indépendants responsables de la sélection des cibles de médicaments prometteurs, de l'examen et de l'évaluation de petites molécules (« hits »).

« Nous sommes ravis d'accueillir Yogesh Sabnis au sein du comité directeur des Défis CACHE. Il travaillera aux côtés d'Anders Hogner, de Judith Günther et de Yvonne Westermaier pour définir les orientations stratégiques et s'assurer que CACHE demeure à l'avant-garde dans le domaine de la recherche computationnelle sur les petites molécules (« hit-finding »). Nous tenons également à remercier Uta Lessel pour sa contribution à l'élaboration de ce concours », a déclaré Matthieu Schapira, coordinateur scientifique de CACHE, chercheur principal au Consortium de génomique structurelle et professeur à l'Université de Toronto. « La présence de

spécialistes expérimentés dans des domaines clés, issus de Bayer, UCB, AstraZeneca et BI, est essentielle pour nous aider à orienter la communauté vers des progrès technologiques dans la découverte computationnelle de médicaments ».

Les défis CACHE sont des concours ouverts visant à encourager et à accélérer la découverte de médicaments à un stade précoce. Ils améliorent les méthodes d'IA et les outils numériques qui facilitent et soutiennent le processus. Toutes les découvertes et les résultats des tests de performance sont rendus publics sans brevets, créant ainsi des occasions de changer des vies et de maximiser les avantages du partage ouvert et de la collaboration entre l'industrie, les PME et le milieu universitaire. Le premier concours des [défis CACHE](#) a démontré le potentiel prometteur des techniques d'IA pour identifier des petites molécules (« hits »). Le [deuxième défi CACHE](#) s'est concentré sur l'identification de molécules capables de se lier à un site hautement conservé sur une protéine du SARS-CoV-2. Le développement réussi de ces molécules en médicaments pourrait permettre de traiter tous les coronavirus. Dans le cadre du [troisième défi CACHE](#), des scientifiques du monde entier ont recouru à des méthodes computationnelles pour identifier des molécules susceptibles de se lier à une cible potentielle en vue de développer des médicaments contre une nouvelle souche de COVID, causée par le SARS-CoV-2. Quatre molécules ont été identifiées, présentant des propriétés chimiques inédites et servant de base prometteuse pour le développement de médicaments. Les données de chaque concours, y compris les nouvelles molécules prometteuses, sont désormais accessibles au public sur le [site web des défis CACHE](#). Les chercheurs du monde entier peuvent ainsi poursuivre leur développement sans brevet ni restriction.

À propos de Conscience

Conscience est un organisme sans but lucratif dont l'objectif est de faciliter la découverte et le développement de médicaments dans des domaines où le partage ouvert et la collaboration sont essentiels pour progresser et où les solutions commerciales sont limitées. Ces domaines incluent les maladies rares ou infectieuses et la résistance aux antimicrobiens. Pour y arriver, elle encourage le travail d'équipe, le partage ouvert des connaissances et des outils, l'utilisation de l'intelligence artificielle, ainsi que l'élaboration de politiques visant à éliminer les obstacles des modèles traditionnels de développement de médicaments. Conscience s'appuie sur un réseau composé d'universitaires, d'industriels, de technologues, d'experts et d'expertes en politique et sur un soutien public pour promouvoir l'innovation en faisant de la découverte et du développement de médicaments un sport d'équipe. Grâce à des projets phares, tels que son programme DMSO (Développer des médicaments en science ouverte) et les défis CACHE (Critical Assessment of Computation Hit-finding Experiments), Conscience accélère le développement de traitements pour les personnes qui en ont le plus besoin. Ainsi, aucune d'entre elles n'est laissée pour compte. Pour en savoir plus, visitez le site www.conscience.ca.

À propos des défis CACHE

Les défis CACHE (Critical Assessment of Computation Hit-finding Experiments) offrent une plateforme de compétition ouverte pour aider à accélérer l'une des premières étapes de la découverte de médicaments. Les scientifiques provenant du milieu universitaire, de l'industrie et des organismes sans but lucratif sont encouragés à mettre en œuvre leurs techniques de calcul les plus performantes pour identifier les petites molécules susceptibles de se lier à une cible

prédéfinie liée à une maladie, une étape cruciale dans la découverte de médicaments appelée « hit-finding ». Leurs prédictions sont évaluées et comparées dans un laboratoire de pointe par nos partenaires du Consortium de génomique structurale (CGS). Tous les résultats des analyses comparatives sont partagés ouvertement et publiquement avec le monde entier. De plus, toutes les structures chimiques sont mises à la disposition de toutes et tous, sans brevet. Pour de plus amples renseignements, visitez conscience.ca/fr/cache-challenge/.

Contact

Julia Smith

Finch Media

julia@finchmedia.net